

Fig. 1SEQ ID NO: 1

TGGAAAGATGTTACTCATCTCCCAGGTTGCTCACTGCAAATACAAT
CCTGAGAACTGAACTAGGGCCTTAAAGTCCTGACATGCATGGCTTGGT
TTTGTGGATTGCCTCTCTCAACAGGTGGTGAATTTACCAAATCCTTT
GAATTGATGTCCCCAAAGTGCAGTGCTGATGCTGAGAACAGTTCAAA
GAAAGCATGGAGAAATCATCATACTCCGACTGGCTAATAAATAACAGC
ATTGCTGAGCTGGTTGCTTCAACAGGCCTCCAGTGAACATCAGTGAT
GCCTACCAGGATCCCGCGCTTGATGCAGAGGCAGACAGATATCTGGT
TTTCACATAAGATCTGTTCTTGTGTCCTATTGGAATAGCAACCAC
CAAATAATTGGAGTGGCTCAAGTGTAAACAGACTTGATGGAAACCT
TTTGATGATGCAGATCAACGACTTTGAGGCTTGTATCTTTGT
GGACTTGGCATCAACAAACACAATTATGTATGATCAAGTGAAGAAGTCC
TGGGCCAAGCAGTCTGGCTCTGATGTGCTATCACCATGCAACA
TGTTCAAAAGCTGAAGTTGACAAGTTAACGGCAGCCAACATCCCTCTG
GTGTCAGAACTTGCATCGATGACATTCAATTGATGACTTTCTCTC
GACGTTGATGCCATGATCACAGCTGCTCTCCGGATGTTCAEGGAGCTG
GGGATGGTACAGAAATTAAAATTGACTATGAGACACTGTGTAGGTGG
CTTTGACAGTGAGGAAAAACTATCGGATGGTTCTATACCACAACTGG
AGACATGCCTCAACGTGTGTCAGCTGATGTTCGCGATGTTAACCACT
GCTGGGTTCAAGACATTCTGACCGAGGTGGAAATTAGCGGTGATT
GTGGGATGCCTGTGTCATGACCTCGACCACAGGGGAACCAACAATGCC
TTCCAAGCTAAGAGTGGCTCTGCCCTGGCCCAACTCTATGGAACCTCT
GCTACCTGGAGCATCACCATTCAACCACGCCGTGATGATCCTTCAA
AGTGAGGGTCACAATATCTTGCTAACCTGTCTCCAAGGAATATAGT
GACCTTATGCAGCTTGAAGCAGTCAATATTGGCAACAGACCTCACG
CTGTACTTGTGAGAGGAGAACTGAATTCTTGAACTTGTCAAGTAAAGGA
GAATACGATTGGAACATCAAAACCACGTGATATATTGATCAATG
TTAATGACAGCCTGTGACCTGGAGCCGTGACCAAACCGTGGGAGATC

- 2/3 -

TCCAGACAGGTGGCAGAACTTGTAACCAGTGAGTCAGCAACAGGA
GATCGGGAGAGATTAGAGCTCAAACACTCACTCCTCAGCAATTGGAT
CGGAACCGGAAGGGATGAAC TG CCGT GCA ACT GGAG TGG ATT GAT
AGCATCTGCATGCCTTGTATCAGGCAGTGGTGAAGGTCAACGTGAAA
CTGAAGCCGATGCTAGATTCACTAGCTACAAACAGAAGTAAGTGGAA
GAGCTACACCAAAACGACTGCTGGCCTCAACTGCCTCATCCTCC
CCTGCCAGTGTATGGTAGCCAAGGAAGACAGGAAC TAAACCTCCAGG
TCAGCTGCAGCTGCAAAATGACTACAGCCTGAAGGGCCATTTCAGTC
CAGCAATGTCATCCTTTGTTCTTTAGCTCAGAAAGACCTAACATCT
CAAGGATGCACTGGGAACCATGCCTGGGCTTCACCTTGAAGCATGGT
CAGCAGCA

- 3/3 -

Fig. 2

SEQ ID NO: 2

MSPKCSADAENSFKESMEKSSYSDWLINNSIAELVASTGLPVNISDAY
QDPRFDAEADQISGFHIRSVLCVPIWNSNHQIIGVAQVLNRLDGKPFDDADQRLFEAFVIFCGLGINNTIMYDQVKKSWAKQSVALDVLSYHATCS
KAEVDKFKAANIPLVSELAIDDIHFDDFSLDVDAMITAALRMFMELGM
VQKFKIDYETLCRWLLTVRKNYRMVLYHNWRHAFNVCQLMFAMLTAG
FQDILTEVEILAVIVGCLCHLDHRGTNNAFQAKSGSALAQLYGTSAT
LEHHHFNHAVMILQSEGHNIFANLSSKEYSDLMQLLQSI LATDLTLY
FERRTEFFELVSKGEYDWNIKNHRDIFRSMLMTACDLGAVTKPWEISR
QVAELVTSEFFEQQGDRERLELKLTSAIFDRNRKDELPRLQLEWIDSI
CMPLYQALVKVNVKLPMLDSVATNRSKWEELHQKRLLASTASSSSPA
SVMVAKEDRN

Fig. 3

SEQ ID NO: 3

5' - CATGACCTCGACCACAGGG - 3'

Fig. 4

SEQ ID NO: 4

5' - TAGAGTTGGGCCAGGGCAG - 3'

Fig. 5

SEQ ID NO: 5

5' - AACCAACAATGCCTTCCAAGCTAAGAGTG - 3'